

FORMATO EUROPEO PER IL CURRICULUM VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome e Nome

PALOMBO VALENTINO

Indirizzo

Telefono

E-mail

PEC

Sesso

CF

Nazionalità

Data di nascita

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

• Date (da – a)

Anno 2019

• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

Master in Bioinformatica e Statistica applicata alle Scienze - Istituto Euro-Mediterraneo di Scienza e Tecnologia (I.E.ME.S.T.) – Palermo (PA).

• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio

Analisi di sequenze e sequenziamento di genomi/esomi, variant effects prediction, predizioni di strutture proteiche, annotazione di genomi, genomica comparativa e analisi filogenetiche, RNA-Seq e Metagenomica. Statistica inferenziale, approccio bayesiano alla probabilità, principi del Machine Learning.

Tesi dal titolo "Evaluating the effect of level of estrogen in mammary parenchyma explants from weaned heifer calves via RNA-sequencing", discussa il 15/11/2019.

• Qualifica conseguita

Esperto in Bioinformatica e Statistica Applicata

• Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

Livello 7.

• Date (da – a)

Anni 2015 – 2018

• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

Dottorato di Ricerca Internazionale in "Tecnologie e Biotecnologie Agrarie" ciclo XXXI - Dipartimento Agricoltura, Ambienti e Alimenti - Università degli Studi del Molise.

• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio

Benessere animale, Biotecnologie e Qualità delle Produzioni Zootecniche.

Analisi genomica e trascrittomiche in specie di interesse zootecnico per lo studio di caratteri connessi alle produzioni.

Tesi di dottorato dal titolo "Genomics, Transcriptomics and Computation Biology: new insights in bovine and swine animal breeding and genetics", discussa il 10/06/2019.

• Qualifica conseguita

Dottore di Ricerca, PhD

• Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)

Livello 8.

• Date (da – a)

Anno 2018

• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

Corso preFIT24CFU- Scienze Umanistiche, Sociali e della Formazione - Università degli Studi del Molise.

• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio

Conseguimento dei 24 CFU nelle materie antropo-psico pedagogiche, fondamentali per partecipare al concorso per docenti non abilitati.

<ul style="list-style-type: none"> • Qualifica conseguita • Livello nella classificazione nazionale (se pertinente) 	<p>Antropologia delle migrazioni, Metodologie e tecnologie didattiche per l'insegnamento delle discipline agrarie, Pedagogia generale, interculturale e dell'inclusione, Psicologia applicata al contesto scolastico</p> <p>Riconoscimento 24 CFU per l'accesso ai concorsi personale docente scuola</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Anni 2007 – 2010</p> <p>Laurea Specialistica in Scienze e Tecnologie Agrarie - Facoltà di Agraria - Università degli Studi del Molise</p> <p>Preparazione culturale nei settori della biologia, della fisica, della chimica e della matematica indispensabili per una formazione professionale specifica; padronanza del metodo scientifico d'indagine; conoscenza delle tecniche, anche di laboratorio, per il controllo della qualità della filiera delle diverse produzioni vegetali e di origine animale; un'elevata preparazione scientifica e tecnologica per progettare e gestire l'innovazione della produzione agraria vegetale, qualitativa e quantitativa, con particolare riferimento alla fertilità del suolo, al miglioramento genetico, alla produzione e difesa delle piante coltivate e dei progetti di filiera ad essa correlati, comprendendo anche le problematiche della conservazione e gestione post-raccolta dei prodotti agricoli e del loro marketing.</p> <p>Tesi di laurea in Biologia Molecolare Applicata al Miglioramento Genetico dal titolo "Analisi dell'espressione del gene <i>DGAT1</i> nel tessuto mammario di pecore in lattazione".</p> <p>Laurea specialistica in Scienze Tecnologie Agrarie (indirizzo: Biotecnologie Agrarie) 110/110 e lode</p> <p>Laurea Specialistica (Classe 77/S) - d.m. 270/04. Livello 7.</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Qualifica conseguita • Livello nella classificazione nazionale (se pertinente) 	<p>Anni 2003 – 2007</p> <p>Laurea triennale in Scienze e Tecnologie Agrarie - Facoltà di Agraria - Università degli Studi del Molise.</p> <p>Figura professionale improntata alla flessibilità, per rispondere alle richieste del mercato del lavoro, nell'ottica di un'agricoltura rispettosa delle risorse ambientali. In particolare, il percorso formativo fornirà conoscenze di base nei settori delle produzioni agrarie, delle caratteristiche intrinseche dei prodotti vegetali ed animali, della gestione dell'impresa, del mercato e della sua organizzazione comune, nonché un'adeguata preparazione sulle problematiche generali del settore.</p> <p>Tesi di laurea in Biologia Molecolare Applicata al Miglioramento Genetico dal titolo "Isolamento e caratterizzazione molecolare di marcatori SSR per lo studio della variabilità genetica in <i>Trigla lucerna</i>"</p> <p>Laurea triennale in Scienze e Tecnologie Agrarie 110/110 e lode – Vincitore del premio Maria Ginevra Mancini - Miglior tesi di laurea triennale per l'anno 2008 – Laboratorio di Genetica e Servizi – Cremona.</p> <p>Laurea triennale (Classe 20) – d.m. 509/99 riconvertito dal d.m. 270/04. Livello 6.</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita • Livello nella classificazione nazionale (se pertinente) 	<p>Anni 1998 – 2002</p> <p>Liceo Classico "M. Pagano" – Campobasso</p> <p>Materie storico – umanistiche</p> <p>Diploma maturità Classica</p> <p>Diploma votazione 81/100. Livello 4.</p>

ALTRI TITOLI DI STUDIO E PROFESSIONALI

- Date (da – a)
- Tipologia

2021
Socio aggregato dell'Associazione per la Scienza e le Produzioni Animali (ASPA)

- Date (da – a)
- Tipologia

2020

Abilitato alla professione di dottore agronomo e dottore forestale

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Da Febbraio 2020 a Gennaio 2022

Dipartimento Agricoltura, Ambienti e Alimenti - Università degli Studi del Molise

Laboratorio di Miglioramento Genetico prof.ssa Mariasilvia D'Andrea. SSD: AGR/17

Assegnista di Ricerca

Analisi genomica e analisi dei dati beadchip array per il monitoraggio della biodiversità e della struttura di popolazione in *Salmo macrostigma*. (Project Nat.Sal.Mo LIFE 17NAT/IT/000547).

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Da Febbraio 2019 a Gennaio 2020

Dipartimento Agricoltura, Ambienti e Alimenti - Università degli Studi del Molise

Laboratorio di Miglioramento Genetico prof.ssa Mariasilvia D'Andrea. SSD: AGR/17

Assegnista di Ricerca

Analisi genomica e trascrittomiche in razze ovine e bovine per il miglioramento della qualità dei prodotti.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Da Maggio a Dicembre 2016

Department of Animal Science - University of Illinois at Urbana-Champaign

Mammalian NutriPhysioGenomics Laboratory (Prof. JJ Looor)

Visiting researcher

Analisi bioinformatiche dei dati trascrittomici ottenuti mediante tecnologia microarray e RNAseq.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Da Marzo a Ottobre 2015

Dipartimento Agricoltura, Ambienti e Alimenti - Università degli Studi del Molise

Laboratorio di Miglioramento Genetico

Collaboratore

Analisi statistica per la ricerca di associazioni fra polimorfismi genetici e fenotipi di dati ottenuti mediante analisi BeadChip e RNA-Seq.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Da Gennaio 2013 a Dicembre 2013

Consorzio Regionale di Difesa Molisano - Co.Re.Di.Mo.

Presso Ufficio Gestione Demanio Civico e Tratturale della Regione Molise (Assessorato Agricoltura, Foreste e Pesca Produttiva - Regione Molise).

Collaboratore

Attività di assistenza tecnica finalizzata alla tutela dei suoli appartenenti alla rete dei tratturi presso Ufficio Gestione Demanio Civico e Tratturale della Regione Molise (Assessorato Agricoltura, Foreste e Pesca Produttiva - Regione Molise).

Funzioni amministrative pertinenti al trasferimento alla Regione dei beni del Demanio Pubblico dello Stato. Verifica e aggiornamento dei dati inerenti le concessioni dei suoli tratturali, georeferenziazione in ambiente GIS.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Da Gennaio 2012 a Dicembre 2012

Consorzio Regionale di Difesa Molisano - Co.Re.Di.Mo.

Presso Ufficio Gestione Demanio Civico e Tratturale della Regione Molise (Assessorato Agricoltura, Foreste e Pesca Produttiva - Regione Molise).

Collaboratore

Attività di assistenza tecnica finalizzata alla tutela dei suoli appartenenti alla rete dei tratturi.

Ricognizione dell'attuale utilizzo dei suoli e dello stato dei soprassuoli in relazione alla tutela della natura tratturale. Individuazione di eventuali interventi di ricostruzione e conservativi sui suoli tratturali degradati o non attualmente fruibili. Redazione linee guida per la gestione ordinaria da parte dei concessionari dei suoli e dei soprassuoli con le specifiche per tipologia di suolo e di utilizzo. Verifica e aggiornamento dei dati inerenti le concessioni dei suoli tratturali, georeferenziazione in ambiente GIS.

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Da Aprile 2011 a Ottobre 2011

Regione Molise – Assessorato Agricoltura Foreste Pesca Produttiva

Servizio di supporto al Programma di Sviluppo Rurale e Coordinamento Leader

Stagista

Studio e affiancamento nel monitoraggio della qualità e dello stato di attuazione del PSR 2007-2013 rispetto agli indicatori di efficienza, efficacia e degli obiettivi prefissati. Gestione della valutazione in itinere ed ex post dell'avanzamento, dei risultati e degli impatti. Gestione dei processi formativi volti all'individuazione dei fabbisogni e valutazione dei risultati. Amministrazione, controllo e gestione del sistema informativo in ordine alle infrastrutture hardware e software.

DIDATTICA E SUPPLENZE

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio

Luglio 2021

Docente di **R programming language course for statistical data analysis** presso il Corso di Dottorato di Ricerca Internazionale in "Tecnologie e Biotecnologie Agrarie" ciclo XXXVI - Dipartimento Agricoltura, Ambienti e Alimenti - Università degli Studi del Molise.

Attività di docenza.

CORSI DI FORMAZIONE, SEMINARI E WORKSHOP

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di formazione

Dicembre 2021

Workshop di **High Performance Bioinformatics** – Organizzato da Cineca Academy (1,2, 3 Dicembre 2021)

Introduction to Big data, Introduction to CINECA supercomputing Hardware Architecture and production Environment, Module Environment, SLURM scheduler, Introduction to Next Generation Sequencing, build scripts for analyzing RNA-seq data, concatenate scripts with SLURM dependencies, scale up on multiple samples, Gene expression analysis with a python notebook, Snakemake Workflow management system.

Ottobre - Dicembre 2021

Corso introduttivo alla **Coltivazione, trasformazione e commercializzazione delle piante officinali** – Organizzato dalla Federazione Italiana Produttori Piante Officinali FIPPO (Ottobre - Dicembre 2021)

Modulo 1: Introduzione alla coltivazione delle piante officinali (18 ore).

Modulo 2: La trasformazione delle erbe in azienda (18 ore).

Modulo 3: Accesso al mercato, qualità e normativa (18 ore)

Modulo 4: La raccolta spontanea Normativa / Gestione della raccolta spontanea secondo il reg. 834/07 / Gli ambienti della raccolta spontanea / Sistemi a popolazione controllata / Intensificazione nella raccolta spontanea: Agroforestazione (9 ore)

Aprile 2021

Workshop di **Plant Transcriptome Analysis Workshop** – Organizzato da ELIXIR Training Galaxy Project (19, 23 Aprile 2021)

<ul style="list-style-type: none"> • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Universal tools, workflows and a framework applicable in bulk and single-cell RNA-Seq data analysis.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione 	<p>Marzo 2021</p> <p>Workshop di Software Carpentry in Python, Linux shell and Git – Organizzato da ELIXIR-IIB Training (19, 26 Marzo 2021)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Automatizzazione con la Shell Unix, Controllo di versione con Git e Github, Programmare con Python, Creare grafici con Python, Applicazioni avanzate con Python.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione 	<p>Febbraio 2021</p> <p>Webinar di Data Mining – 4th SUMMER SCHOOL: Data mining in Aquaculture and Biomedicine (22, 23, 24 Febbraio 2021)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Multivariate data analyses, Systems biology approaches: Bioinformatics methods for Functional genomics (RNAseq; R/Python/Galaxy), Theoretical basis and limits of the application of Artificial Neural Networks (ANNs), Geometric morphometrics and image analysis for fish grading: theory and case studies applications.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione 	<p>Dicembre 2020 – Marzo 2021</p> <p>Corso di Machine Learning – Stanford University (USA) on Coursera (11 settimane)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Machine Learning and Algorithms of Machine Learning, Logistic Regression, Artificial Neural Network.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione 	<p>Dicembre 2020</p> <p>Corso di Advanced R: Variant Analysis – University of Illinois at Urbana-Champaign (USA) (High-Performance Biological Computing Department) (1 settimana)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Read, filter, and interrogate variant calls that are in VCF (Variant Call Format) format with Bioconductor packages in R. Assessing minor allele frequency, missing data rate, heterozygosity, and/or linkage disequilibrium; working with genome annotations as TxDb objects; discovering what genes are near SNPs of interest; identifying functional consequences of variants.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione 	<p>Ottobre-Novembre 2020</p> <p>Corso di 10X Single Cell RNA-Seq Analysis – University of Illinois at Urbana-Champaign (USA) (High-Performance Biological Computing Department) (4 settimane)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>10X Single Cell technology from a data analysis perspective rather than a wet-lab perspective. Attendees will be introduced to single cell applications and experimental design considerations. Additionally, attendees will learn how to analyze, explore, and visualize an RNA-Seq example dataset through hands-on exercises covering command line software and R packages.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione 	<p>Settembre-Ottobre 2020</p> <p>Corso di Microbial Profiling – University of Illinois at Urbana-Champaign (USA) (High-Performance Biological Computing Department) (3 settimane)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Workflow for Microbiome Data Analysis: dal dato grezzo all'analisi statistica per analisi qualitativa e quantitativa.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione 	<p>Agosto 2020</p> <p>Corso di Genomic predictions in animals and plants – Aarhus University (DNK) (1 settimana)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Genomic prediction and genomic selection; modelli misti in GWAS e per la whole-genome prediction. Cross-validation. GBLUP e single step GBLUP model. Introduzione alla statistica Bayesiana. Bayesian shrinkage models: BayesA e LASSO and e loro iperparametri; Stima delle component della varianza e delle ereditabilità. Modelli single e multi traits.</p>

<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Agosto 2020</p> <p>Corso di Gene mapping – Aarhus University (DNK) (1 settimana)</p> <p>Modelli statistici per il gene mapping, imputazione dei genotipi, ricostruzione delle fasi degli aplotipi, identity by descent, modelli e metodi per la population-based association mapping. Modoti per il control false discovery negli studi di associazione. Single-marker regression, modelli lineari misti, affected sib-pair. Meta-analisi in GWAS. Prediction poligenica dei fenotipi.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Ottobre 2019</p> <p>Corso di Statistics for Genomic Data Science – Johns Hopkins University (USA) on Coursera (4 settimane)</p> <p>Introduzione alla statistica alla base delle principali analisi che utilizzano dati genomici. Questo è il settimo corso previsto all'interno del Corso di Specializzazione in 'Genomic Big Data Science'.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Settembre 2019</p> <p>Corso di Bioconductor for Genomic Data Science – Johns Hopkins University (USA) on Coursera (4 settimane)</p> <p>Utilizzo dei principali tools di Bioconductor per l'analisi di dati genomici. Questo è il sesto corso previsto all'interno del Corso di Specializzazione in 'Genomic Big Data Science'.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Settembre 2019</p> <p>Corso di Command Line Tools for Genomic data – Johns Hopkins University (USA) on Coursera (4 settimane)</p> <p>Comandi Unix di base per la gestione di file e directory, utilizzo di tools per la gestione dei dati genomici da riga di comando: Samtools, Bedtools, Bowtie, Bcftools e Cufflinks. Questo è il quinto corso previsto all'interno del Corso di Specializzazione in 'Genomic Big Data Science'.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Agosto 2019</p> <p>Corso di Algorithms for DNA Sequencing – Johns Hopkins University (USA) on Coursera (4 settimane)</p> <p>Esplorazione dei principali algoritmi per analizzare i dati di sequenziamento con particolare riferimento al "read alignment" e all' "assembly". Questo è il quarto corso previsto all'interno del Corso di Specializzazione in 'Genomic Big Data Science'.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Agosto 2019</p> <p>Corso di Python for Genomic Data Science – Johns Hopkins University (USA) on Coursera (4 settimane)</p> <p>Introduzione alla programmazione in Python. Concetti di base di programmazione bioinformatica per l'analisi di grandi quantità di dati. Utilizzo di Biopython. Questo è il terzo corso previsto all'interno del Corso di Specializzazione in 'Genomic Big Data Science'.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Luglio 2019</p> <p>Corso di Genomic Data Science with Galaxy – Johns Hopkins University (USA) on Coursera (4 settimane)</p> <p>Utilizzo dei tools disponibili su Galaxy per le principali analisi genomiche. Questo è il secondo corso previsto all'interno del Corso di Specializzazione in 'Genomic Big Data Science'.</p>
<p>Date (da – a)</p> <ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Giugno 2019</p> <p>Corso di Introduction to Genomics – Johns Hopkins University (USA) on Coursera (4 settimane)</p> <p>Introduzione alla Genomica e alle tecniche di next-generation sequencing per lo studio del DNA,</p>

RNA e dei pattern epigenetici. Introduzione ai concetti di base in ambito bioinformatico. Questo è il primo corso previsto all'interno del Corso di Specializzazione in 'Genomic Big Data Science'.

Date (da – a)	Febbraio 2019
• Nome e tipo di istituto di formazione	Corso di Software and Data Carpentry – organizzato da Elixir Italy presso CNR Napoli (11,12 Febbraio 2019).
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Basic concepts and tools for biological data management, including program design, version control and task automation. Automating tasks with the Unix shell, Introduction to R and RStudio, Exploring Data Frames, Dataframe Manipulation with dplyr, Creating Publication-Quality Graphics with ggplot2, Version control with Git.
Date (da – a)	Maggio 2018
• Nome e tipo di istituto di formazione	Corso di Analisi Statistica multivariata –Università degli Studi di Pisa (ITA) (Dipartimento Agricoltura Ambiente Alimenti).
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Applicazione delle tecniche multivariate. Analisi della variabilità dei dati mediante l'uso delle componenti principali e analisi fattoriale.
Date (da – a)	Maggio 2017
• Nome e tipo di istituto di formazione	Corso di Statistical computing with R – presso Università degli Studi del Molise (ITA) (Dipartimento Agricoltura Ambiente Alimenti).
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Utilizzo di R per l'analisi statistica e la visualizzazione grafica di dati sperimentali biologici.
Date (da – a)	Febbraio 2017
• Nome e tipo di istituto di formazione	Corso di Analisi Statistica avanzata per le scienze zootecniche – organizzato dall'Associazione Scientifica di Produzione Animale Italiana (ASPA) presso Università degli Studi di Pisa (ITA) (Dipartimento Agricoltura Ambiente Alimenti).
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Approfondimento sui metodi inferenziali, analisi di varianza, statistiche non parametriche, il disegno sperimentale e gerarchico, covarianza e regressioni.
Date (da – a)	Settembre 2016 – Novembre 2016
• Nome e tipo di istituto di formazione	Corso di Linux, high performance computing (HPC), R e RNASeq analysis – University of Illinois at Urbana-Champaign (USA) (High-Performance Biological Computing Department).
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Principali comandi Linux, utilizzo cluster per HPC, programmazione in R, analisi trascrittomiche mediante RNA-seq.
Date (da – a)	Settembre 2015
• Nome e tipo di istituto di formazione	Corso di Analisi Statistica di base per le scienze zootecniche – organizzato dall'Associazione Scientifica di Produzione Animale Italiana (ASPA) presso Università degli Studi di Pisa (ITA) (Dipartimento Agricoltura Ambiente Alimenti).
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Introduzione ai metodi inferenziali, analisi di varianza, statistiche non parametriche, il disegno sperimentale, covarianza e regressione.
Date (da – a)	Luglio 2014 - Novembre 2014
• Nome e tipo di istituto di formazione	Corso di Ambiente Territorio ed Energie Rinnovabili – presso IAROS International – Campobasso (ITA).
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Gli interventi nelle zone paesaggisticamente vincolate, le procedure autorizzative; la valutazione di impatto ambientali, la valutazione ambientale strategica e la valutazione di incidenza, la normativa regionale vigente; casistica regionale, disciplina normativa comunitaria e nazionale sui rifiuti, connessioni con la normativa ambientale ed energetica, i temi del ciclo integrato dei rifiuti.

<ul style="list-style-type: none"> Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Giugno 2014 - Luglio 2015</p> <p>Corso di Disegno e progettazione CAD – presso IAROS International – Campobasso (ITA). Utilizzo del software CAD (nelle sue funzionalità 2D e 3D) per la realizzazione di qualsiasi elaborato tecnico.</p>
<ul style="list-style-type: none"> Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Maggio - Luglio 2012</p> <p>Corso di Piano di formazione informatica – presso Molise Dati S.p.A – Campobasso (ITA). Analisi dei dati e progettazione banche dati. La Posta Elettronica Certificata. Elaborazioni statistiche con excel. La razionalizzazione e la gestione dei flussi documentali: il protocollo informatico, il fascicolo informativo e la conservazione sostitutiva dei documenti. La carta nazionale dei servizi, la carta d'identità elettronica e la firma digitale. Creazione e gestione di pagine web.</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Settembre 2009 – Maggio 2010</p> <p>Corso di formazione Linux & Office Base – IAROS International – Campobasso (ITA). Conoscenza di base per utilizzare il sistema operativo e le sue principali componenti (Open Office).</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Maggio 2010</p> <p>Seminario di “Gene-Expression analysis” Bio-Rad –Dipartimento Scienze e Tecnologie Agro-alimentari (ITA) (Università degli Studi del Molise). Gene-Expression analysis; from the beginnings to the state of the art. The relevance of reference genes, RNA quality and the importance of MIQE guidelines. HRM the Bio-Rad way. New opportunity for genomic screening and mutation analysis with real-time PCR instruments.</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio 	<p>Febbraio - Maggio 2008</p> <p>Corso di aggiornamento in Bioetica –Centro di Ricerca e Formazione ad Alta Tecnologia nelle Scienze Biomediche “Giovanni Paolo II” (Università Cattolica del Sacro Cuore) Campobasso (ITA). Fondamenti di bioetica, Bioetica di inizio-vita, Bioetica di fine-vita, Questioni di etica applicata.</p>

**CAPACITÀ E COMPETENZE
PERSONALI**

MADRELINGUA ITALIANA

ALTRE LINGUA

<ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	<p>INGLESE</p> <p>Buono</p> <p>Buono</p> <p>Buono</p>
---	--

**CAPACITÀ E COMPETENZE
RELAZIONALI** Nel corso della propria formazione ha sviluppato eccellenti e valide competenze socio-relazionali. Sia per indole naturale che per esperienza acquisita, riscontra molta facilità nell'approccio con la gente.

**CAPACITÀ E COMPETENZE
ORGANIZZATIVE** Buone capacità organizzative, spiccata attitudine al lavoro per obiettivi e a progetto.

CAPACITÀ E COMPETENZE
TECNICHE ED INFORMATICHE

Ottima conoscenza informatica sistemi Windows, MacOS e Linux e suoi principali applicativi (Word, Excel, Acces, Power Point).

Utente esperto di software statistici e di linguaggi di programmazione (SPSS, R, Python). Utente esperto di software per l'analisi genomica, filogenesi e genetica di popolazione (Plink, Arlequin, Structure, Admixture, Adegnet, Genepop). Ottime conoscenze nell'utilizzo di banche dati genomiche (NCBI, GenBank, EMBL) e nello sviluppo di pipeline bioinformatiche per l'analisi di dati di sequenziamento ottenuti mediante tecnologie di nuova generazione (NGS technologies). Genomica: studi di associazione genomica, mapping su banche dati, assemblaggio de-novo, annotazione genomica, richiamo di varianti (SNV), filogenomica e genomica di popolazioni. Trascrittomica: assemblaggio de-novo di trascritti, analisi differenziale di espressione genica, analisi di ontologia dei geni (GO) e annotazione funzionale. Metagenomica: assegnazione tassonomica e analisi di diversità del microbioma.

Buona conoscenza di software cartografici e di disegno tecnico (Autocad, Autocad Map 3D, ArchGIS, Quantum GIS, Photoshop, Illustrator).

Ottima conoscenza delle principali apparecchiature di laboratorio per la biologia molecolare e genetica, in particolare PCR, RT-PCR, sequenziatore.

Certificazione **European Computer Driving Licence - ECDL** (Ottobre 2013)

CAPACITÀ E COMPETENZE
ARTISTICHE

Buona conoscenza musicale (strumento musicale: chitarra)
Discreta abilità nel disegno.

PATENTE O PATENTI

Patente di guida cat. B – Automunito

ULTERIORI INFORMAZIONI

Buona capacità comunicativa. Spiccata attitudine a lavorare in team; precisione e puntualità nelle consegne e nel lavoro in generale; buone capacità gestionali e direttive; autonomia, creatività ed intraprendenza; attaccamento al lavoro.

Hobbies: musica, sport (calcio a 5), volontariato.

Piena disponibilità a spostarsi per lavoro in Italia e all'estero.

**PREMI E
RICONOSCIMENTI**

2020

Premio "Donato Matassino" per una tesi di dottorato di ricerca nell'ambito della "Genetica applicata alla zootecnia" anno 2020 – Accademia dei Georgofili – Firenze.

2008

Premio "Maria Ginevra Mancini" - Miglior tesi di laurea triennale per l'anno 2008 – Laboratorio di Genetica e Servizi – Cremona.

QUALIFICAZIONI

2021

Culture della Materia in "**Genetica Agraria**" presso il Dipartimento di Agricoltura Ambiente Alimenti dell'Università degli Studi del Molise (A.A. 2021/2022)

Culture della Materia in "**Istituzioni di Genetica**" presso il Dipartimento di Agricoltura Ambiente Alimenti dell'Università degli Studi del Molise (A.A. 2021/2022)

Culture della Materia in "**Genetica e produzioni sostenibili e di qualità**" presso il Dipartimento di Agricoltura Ambiente Alimenti dell'Università degli Studi del Molise (A.A. 2021/2022)

- 2020** Cultore della Materia in **"Genetica Agraria"** presso il Dipartimento di Agricoltura Ambiente Alimenti dell'Università degli Studi del Molise (A.A. 2020/2021)
Cultore della Materia in **"Istituzioni di Genetica"** presso il Dipartimento di Agricoltura Ambiente Alimenti dell'Università degli Studi del Molise (A.A. 2020/2021)
- 2019** Cultore della Materia in **"Genetica Agraria"** presso il Dipartimento di Agricoltura Ambiente Alimenti dell'Università degli Studi del Molise (A.A. 2019/2020)
Cultore della Materia in **"Istituzioni di Genetica"** presso il Dipartimento di Agricoltura Ambiente Alimenti dell'Università degli Studi del Molise (A.A. 2019/2020)
- 2018** Cultore della Materia in **"Genetica Agraria"** presso il Dipartimento di Agricoltura Ambiente Alimenti dell'Università degli Studi del Molise (A.A. 2018/2019)
Cultore della Materia in **"Istituzioni di Genetica"** presso il Dipartimento di Agricoltura Ambiente Alimenti dell'Università degli Studi del Molise (A.A. 2018/2019)

**PUBBLICAZIONI
SCIENTIFICHE**

- 2021** **Genotyping of Two Mediterranean Trout Populations in Central-Southern Italy for Conservation Purposes Using a Rainbow-Trout-Derived SNP Array**
Palombo V., De Zio E., Salvatore G., Esposito S., Iaffaldano N., D'Andrea M.
Animals. 2021; 11(6):1803. <https://doi.org/10.3390/ani11061803>.
- Single-Step Genome Wide Association Study Identifies QTL Signals for Untrimmed and Trimmed Thigh Weight in Italian Crossbred Pigs for Dry-Cured Ham Production**
Palombo, V.; D'Andrea, M.; Licastro, D.; Dal Monego, S.; Sgorlon, S.; Sandri, M.; Stefanon, B.
Animals. 2021; 11(6):1612. <https://doi.org/10.3390/ani11061612>.
- Unique adaptations in neonatal hepatic transcriptome, nutrient signaling, and one-carbon metabolism in response to feeding ethyl cellulose rumen-protected methionine during late-gestation in Holstein cows**
Palombo V., Alharthi A., Batistel F., Parys C., Guyader J., Trevisi E, D'Andrea M., Looor J.J.
BMC Genomics. 2021 Apr 17;22(1):280. doi: 10.1186/s12864-021-07538-w.
- Genetic regulation of biomarkers as stress proxies in dairy cows**
Milanesi, M.; Passamonti, M.M.; Cappelli, K.; Minuti, A.; Palombo, V.; Sgorlon, S.; Capomaccio, S.; D'Andrea, M.; Trevisi, E.; Stefanon, B.; Williams, J.L.; Ajmone-Marsan, P.
Genes 2021, 12, 534. <https://doi.org/10.3390/genes12040534>.
- 2020** **Genomic prediction for latent variables related to milk fatty acid composition in Holstein, Simmental and Brown Swiss dairy cattle breeds**
Palombo V, Pegolo S, Conte G, Cesarani A, Macciotta N.P.P, Stefanon B, Paolo Ajmone Marsan P, Mele M, Cecchinato A, D'Andrea M.
J Anim Breed Genet. 2020 Dec 17. doi: 10.1111/jbg.12532. PMID: 33331079.
- Use of multivariate factor analysis of detailed milk fatty acid profile to perform a genome-wide association study in Italian Simmental and Italian Holstein**
Palombo V, Conte G, Mele M, Macciotta N.P.P, Stefanon B, Marsan, P.A, D'Andrea, M.
Journal of Applied Genetics 2020. <https://doi.org/10.1007/s13353-020-00568-2>.

Combined multivariate factor analysis and GWAS for milk fatty acids trait in Comisana sheep breed

Palombo V, Gaspa G, Conte G, Pilla F, Macciotta N, Mele M, D'Andrea M.
Animal Genetics 2020. <https://doi.org/10.1111/age.12948>.

PANEV: an R package for a pathway-based network visualization

Palombo V, Milanesi M, Sferra G, Capomaccio S, Sgorlon S, D'Andrea M.
BMC Bioinformatics 21, 46 (2020). <https://doi.org/10.1186/s12859-020-3371-7>.

2018 Genome-wide association study of milk fatty acid composition in Italian Simmental and Italian Holstein cows using SNP arrays

Palombo V, Milanesi M, Sgorlon S, Capomaccio S, Mele M, Nicolazzi E, Ajmone-Marsan P, Pilla F, Stefanon B, D'Andrea M.
Journal of Dairy Science 2018. doi: 10.3168/jds.2018-14413.

Transcriptional profiling of swine mammary gland during the transition from colostrogenesis to lactogenesis using RNA sequencing

Palombo V, Loor JJ, D'Andrea M, Vailati-Riboni M, Shahzad K, Krogh U, Theil PK.
BMC Genomics 2018 May 3; 19(1):322. doi: 10.1186/s12864-018-4719-5.

2017 What are omics sciences?

Vailati-Riboni M, Palombo V, Loor JJ.

Periparturient Diseases of Dairy Cows: A Systems Biology Approach pp. 1-7. Springer International Publishing. doi: 10.1007/978-3-319-43033-1_1.

The omics side of fatty liver: A holistic approach for a commonly occurring periparturient disease

Vailati-Riboni M, Palombo V, Loor JJ.

Periparturient Diseases of Dairy Cows: A Systems Biology Approach pp. 223-246. Springer International Publishing. doi: 10.1007/978-3-319-43033-1_11.

ATTI A CONVEGNO

2021 Adaptations in neonatal calf hepatic transcriptome in response to enhanced post-ruminal maternal supply of methionine

V. Palombo, A.S. Alharthi, F. Batistel, M. D'Andrea¹, C. Parys, J. Guyader, J.J. Loor
ASPA 24nd Congress Book of Abstracts. Italian Journal of Animal Science.

Genetic biodiversity study in Mediterranean trout population using SNP array: a case study in Molise region

V. Palombo, G. Salvatore, G. Albanese, M. Iorizzo, G. Rusco, M. Di Iorio, S. Esposito, N. Iaffaldano, M. D'Andrea
ASPA 24nd Congress Book of Abstracts. Italian Journal of Animal Science.

A machine learning approach for the identification of population-informative markers from trout genotyping data

G. Salvatore, V. Palombo, E. De Zio, L. Maiuro, G. Rusco, M. Di Iorio, S. Esposito, N. Iaffaldano, M. D'Andrea
ASPA 24nd Congress Book of Abstracts. Italian Journal of Animal Science.

Estrogen levels effect on mammary parenchyma explants from Holstein heifer calves fed an enhanced preweaning diet evaluated via RNA-sequencing

G. Salvatore, V. Palombo, M. Vailati-Riboni, M. D'Andrea, A. J. Geiger, M.R. Akers, J.J. Loor
ASPA 24nd Congress Book of Abstracts. Italian Journal of Animal Science.

2019 Multivariate Factor Analysis of milk fatty acids profile for GWAS analysis in Comisana sheep breed

V. Palombo, G. Gaspa, G. Conte, N. Macciotta, M. Mele, F. Pilla, M D'Andrea
ASPA 23nd Congress Book of Abstracts. Italian Journal of Animal Science, 18:sup1, pag. 126-127, doi: 10.1080/1828051X.2019.1622269.

Biodiversity in local population of Mediterranean trout in Molise

N. Iaffaldano, E. De Zio, V. Palombo, G. Rusco, M Di Iorio, M. Penserini, S. Esposito, P. Gibertoni, M. D'Andrea

ASPA 23nd Congress Book of Abstracts. Italian Journal of Animal Science, 18:sup1, pag. 122-123, doi: 10.1080/1828051X.2019.1622269.

Phenotypic traits correlation for hygienic behaviour in *Apis mellifera ligustica*

V. Palombo, G. Salvatore, A. De Cristofaro¹, M. D'Andrea

ASPA 23nd Congress Book of Abstracts. Italian Journal of Animal Science, 18:sup1, pag. 126, doi: 10.1080/1828051X.2019.1622269.

2018 microRNA involvement during the onset of ketosis and fatty liver in periparturient Holstein dairy cows

R. E. Bucktrout, V. Palombo, M. V. Riboni, and J. J. Loor

Abstracts of the 2018 American Dairy Science Association Annual Meeting Journal of Dairy Science Volume 101, Supplement 2, T163 pag. 272.

Level of estrogen in mammary parenchyma explants from weaned Holstein heifer calves increases growth and proliferation through transcriptional mechanisms as evaluated via RNA-sequencing

M. V. Riboni, V. Palombo, A. J. Geiger, R. M. Akers, and J. J. Loor

Abstracts of the 2018 American Dairy Science Association Annual Meeting Journal of Dairy Science Volume 101, Supplement 2, T165 pag. 273.

RNA sequencing reveals that methionine supply during late-gestation alters neonatal Holstein heifer calf liver transcriptome profiles

A. S. M. Alharthi, F. Batistel, V. Palombo, C. I. M. Garces, C. Parys, and J. J. Loor

Abstracts of the 2018 American Dairy Science Association Annual Meeting Journal of Dairy Science Volume 101, Supplement 2, 310 pag. 340.

2017 Pathways interaction analysis for identification of novel candidate genes

Valentino Palombo, Marco Milanesi, Stefano Capomaccio, Sandy Sgorlon, Mariasilvia D'Andrea

ASPA 22nd Congress Book of Abstracts, O069 pag 77,
doi.org/10.1080/1828051X.2017.1330232.

Genome-wide association study of milk fatty acid composition in Italian Simmental and Italian Holstein cows

Mariasilvia D'Andrea, Valentino Palombo, Marco Milanese, Sandy Sgorlon, Stefano Capomaccio, Giuseppe Conte, Paolo Ajmone-Marsan
ASPA 22nd Congress Book of Abstracts, O069 pag 65,
doi.org/10.1080/1828051X.2017.1330232.

Identification of genomic variants associated with metabolic stress in Italian Simmental and Holstein cows

M Milanese, M Di Guardo, S Capomaccio, K Cappelli, V Palombo, M D'Andrea, M Del Corvo, S Sgorlon, A Minuti, Y Tani Utsunomiya, JS Garcia, E Trevisi, R Negrini, B Stefanon, P Ajmone-Marsan
ASPA 22nd Congress Book of Abstracts, O069 pag 70-71,
doi.org/10.1080/1828051X.2017.1330232.

RNAseq analysis of sow mammary gland reveals strong transcriptomic regulation of colostrogenesis

V. Palombo, J. J. Loor, M. Vailati Riboni, U. Krogh, and P. K. Theil.
Abstracts of the 2017 American Dairy Science Association Annual Meeting Journal of Dairy Science Volume 101, Supplement 2, 492 pag. 422.

In silico prediction of miRNA activity in the hepatic response to prepartum body condition score and plane of nutrition during the transition period in grazing dairy cows

M. Vailati Riboni, V. Palombo, M. D. Mitchell, M. A. Crookenden, A. Heiser, S. L. Rodriguez-Zas, J. R. Roche, and J. J. Loor.
Abstracts of the 2017 American Dairy Science Association Annual Meeting Journal of Dairy Science Volume 101, Supplement 2, M254 pag. 98.

miRNA regulation of the neutrophil transcriptome in response to prepartal energy intake in Holstein cows: an in silico approach

M. Vailati Riboni, V. Palombo, A. Agrawal, M. J. Khan, and J. J. Loor
Abstracts of the 2017 American Dairy Science Association Annual Meeting Journal of Dairy Science Volume 101, Supplement 2, M252 pag. 98.

RNA-seq analysis of sow mammary gland tissue from late pregnancy to farrowing

V. Palombo, M. D'Andrea, J. J. Loor, M. Vailati Riboni, K. Shahzad, U. Krogh, and P. K. Theil.
Scientific Conference of PhD. Students of FAFR and FBFS SUA in Nitra – Proceedings of Abstract, pag. 18. Zborník abstraktov FAPZ a FBP 2017.

2011 Differences in DGAT1 gene expression associated with gene polymorphisms in Gentile di Puglia, Altamura and Sarda sheep

M. D'Andrea, A. Campanella, V. Palombo, B. Moioli, F. Pilla
Proceedings of the 19th ASPA Congress, Cremona, June 7-10, 2011, Italian Journal of Animal Science, 10:sup1, 160F, 134-135, DOI: 10.4081/ijas.2011.s1.

Campobasso, _____

Firma

ALLEGATI

Il sottoscritto è a conoscenza che, ai sensi di quanto disposto dall'art. 76 del D.P.R. 445 del 28.12.2000, le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali.

Il sottoscritto autorizza il trattamento dei suoi dati personali presenti nel cv ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali" e del GDPR (Regolamento UE 2016/679).

Campobasso, 11/02/2022

Firma
